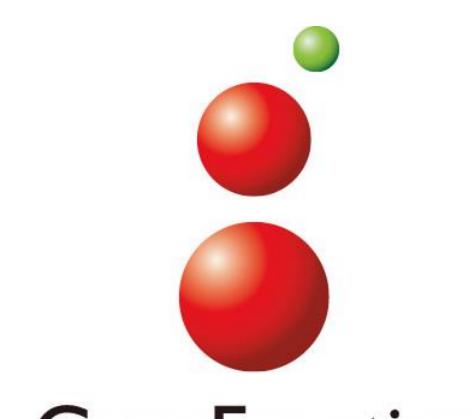


# 再構成型無細胞タンパク質合成系 (PUREflex®) および糖転移酵素を用いた糖タンパク質合成の試み

Synthesis of glycosylated proteins using PUREflex® with glycosyltransferase

松本 令奈<sup>1</sup>, 丹羽 達也<sup>2</sup>, 田口 英樹<sup>2</sup>, 金森 崇<sup>1</sup> (<sup>1</sup>ジーンフロンティア株式会社、<sup>2</sup>東工大・研究院・細胞センター)

Rena Matsumoto, Tatsuya Niwa, Hideki Taguchi and Takashi Kanamori (<sup>1</sup>GeneFrontier Corp., <sup>2</sup>Cell Biology Center, IIR, Tokyo Tech)



## <Abstract>

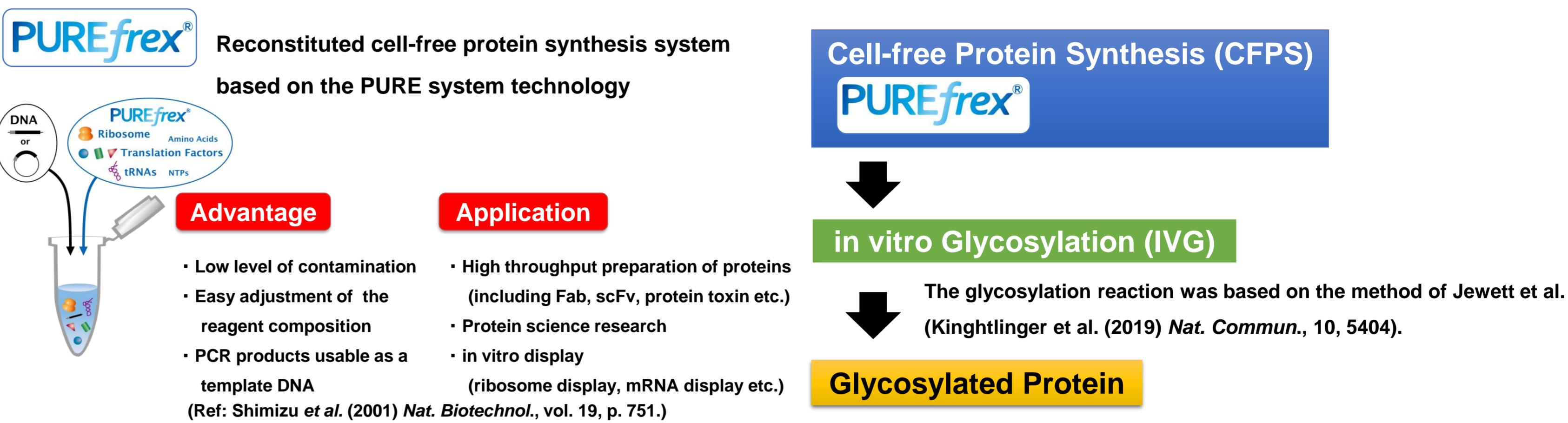
PUREflex®は、PURE systemを基にした大腸菌でのタンパク質合成に関与する因子のみから再構成した無細胞タンパク質合成系である。そのため、反応条件や追加因子によって、合成したタンパク質の翻訳後修飾の調節が容易である。これまでに酸化剤とプロテインジスルフィドイソメラーゼ (PDI) を追加して活性を有したジスルフィド結合含有タンパク質の合成などが可能であることを示してきた。本発表では、糖転移酵素および基質となる糖供与体を用いてN型糖鎖修飾タンパク質をPUREflex®で合成することが可能かを検討した。

糖鎖修飾反応はJewettらの方法を参考にした(Kingtlinger et al. (2019) *Nat. Commun.*, 10, 5404)。大腸菌 Colicin-E7 immunity proteinにN型糖鎖付加配列を挿入したモデルタンパク質 (Im7-6)、ならびに数種類の糖転移酵素をPUREflex®でそれぞれ合成し、これらと糖供与体を混合してIm7-6の糖鎖修飾反応 (*in vitro* glycosylation (IVG))を行った。IVG後のSDS-PAGEおよび質量分析の結果、Im7-6の糖鎖付加配列中のアルギニン残基へのグルコース付加を起点とし、酵素依存的にガラクトース、GlcNAcあるいはシアル酸の付加を確認した。さらに、Im7-6と糖鎖転移酵素の合成および糖鎖修飾反応を同時に進行するone-pot合成・糖鎖修飾反応 (cell-free protein synthesis (CFPS)-IVG one-pot)を行ったところ、この方法でも糖鎖修飾されたIm7-6を確認できた。

また、ジスルフィド結合タンパク質や膜タンパク質についても、IVGの方法を変えることによって、糖鎖付加が可能であることが分かった。

以上の結果より、PUREflex®でも糖タンパク質を合成できることが示された。

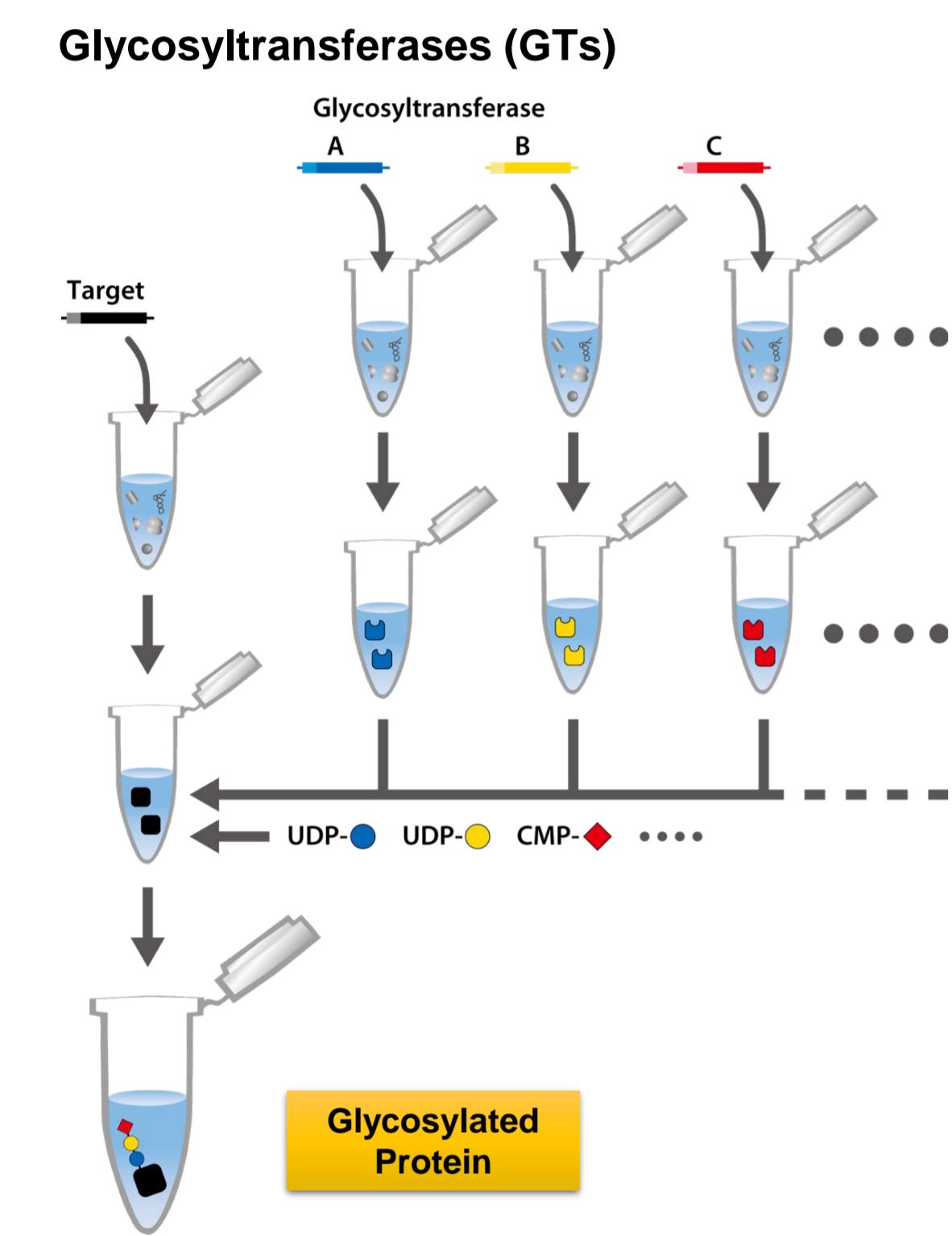
## in vitro Glycosylation (IVG) of target proteins combined with Cell-Free Protein synthesis (CFPS) by PUREflex®



## 1. in vitro Glycosylation of model protein

### 1-1. IVG

Cell-free Protein synthesis (CFPS) of target protein and Glycosyltransferases (GTs)



All IVG samples were purified using Ni-Sepharose 6 FF.

Eluates were applied to SDS-PAGE(10-20%).

Gel staining: Oriole Fluorescent Gel Stain (Bio-Rad)

Quantitation: LAS-4000 system (GE Healthcare)

The rest of the samples were subjected to mass spectrometry.

(Q-Exactive & Proteome Discoverer 2.4)

### Colicin-E7 immunity protein mutant (Im7-6) (*Escherichia coli*)

1 ATT GGNWTT AGG 93  
Length Molecular weight 101 a.a. 11,366 Da

Im7-6 [21-49] EIEKEATTGGNWTAGGDVLDVLLEHFVK

Modification	Theo. MH+ [Da]	Number of PSMs*			
		lane 1	lane 2	lane 3	lane 4
-	3129.5739	50	1	8	2
Glc	3291.6267	0	33	7	9
Glc-Gal	3453.6795			106	48
Glc-Gal-(GlcNAc-Gal);	3818.8117			0	29
Glc-Gal-(GlcNAc-Gal); <sub>2</sub>	4183.9439			0	49
Glc-Gal-(GlcNAc-Gal); <sub>3</sub>	4549.0761			0	30

\*Number of PSMs (Peptide Spectrum Matches) was calculated as the average value of three measurements.

(The same applies to the following experiments.)

Im7-6 [21-49] EIEKEATTGGNWTAGGDVLDVLLEHFVK

Modification	Theo. MH+ [Da]	Number of PSMs			
		(control)	lane 2	lane 3	lane 4
-	3129.5739	92	7	5	4
Glc	3291.6267	0	30	25	30
Glc-Gal	3453.6795	0	36	74	69
Glc-Gal-Sia	3744.7750	0	77	74	72

IVG with PUREflex® could provide the N-glycosylation of Im7-6.

### 1-2. One-pot IVG

CFPS PUREflex® + IVG

#### One-pot CFPS-IVG condition

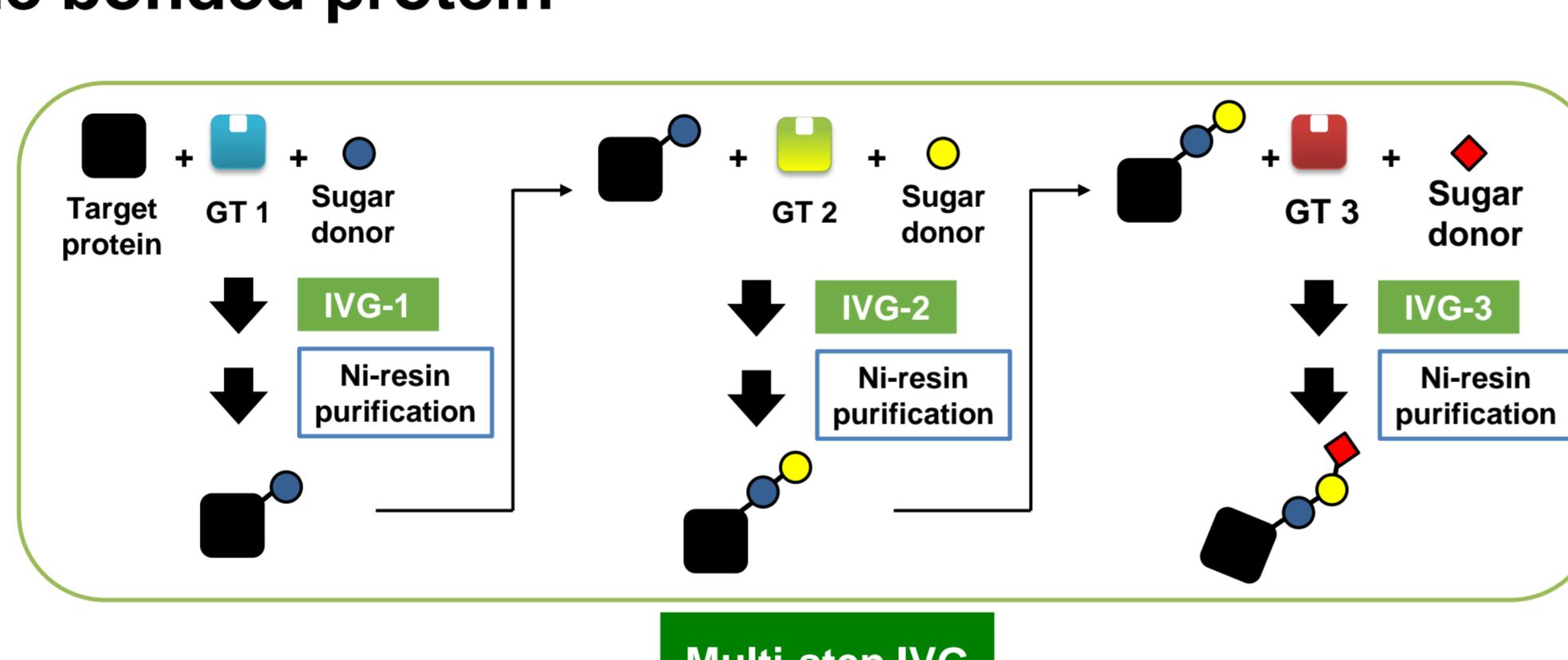
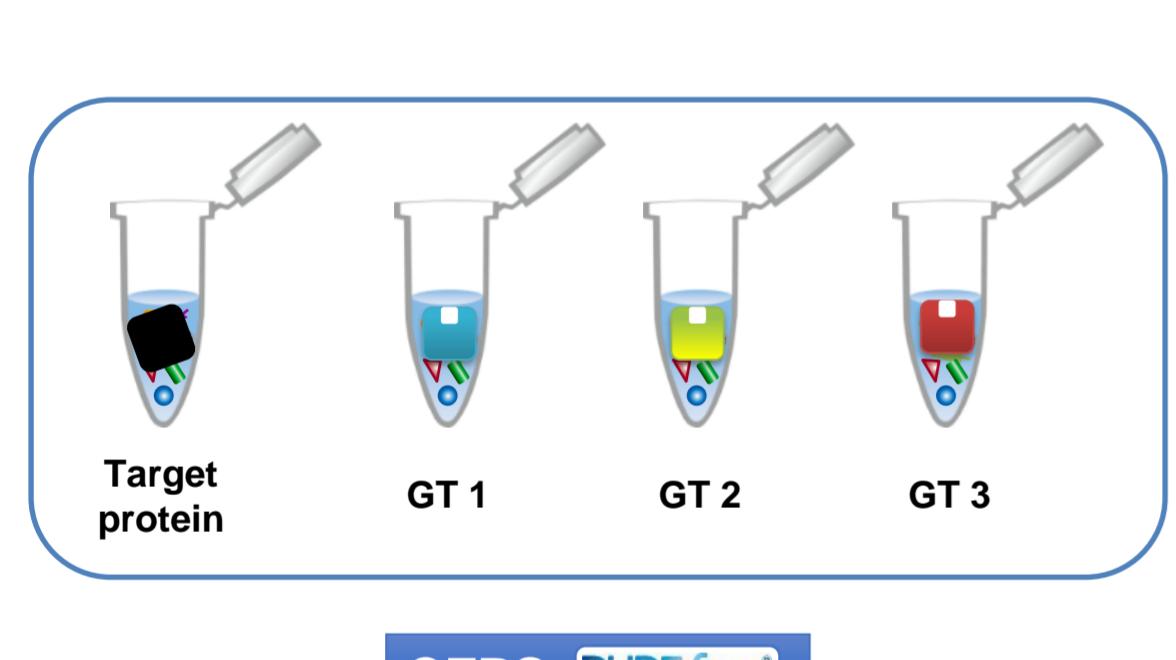
Template DNA	Reaction mixture	Sugar donor
Im7-6 (3.7 nM)	PUREflex® 2.1 (4 mM GSH) NmLgtB (0.1 nM) LgtA (0.5 nM)	UDP-glucose (2.5 mM) UDP-galactose (2.5 mM) UDP-GlcNAc (2.5 mM)

\*

It is most likely detecting a carryover from the previous measurement.

One-pot IVG by PUREflex® could provide the N-glycosylation of Im7-6.

## 2. in vitro Glycosylation of disulfide bonded protein



### Human Interleukin-6 (hIL6)

disulfide bond: 73-C ATT GGNWTT AGG C 78  
Length: 209 a.a.  
Molecular weight: 23,550 Da  
Original sequence: CNKNSNC  
Modified sequence: CATTGGNWTAGGC

### IVG

Target protein	GT1	GT2	GT3
<b>CFPS PUREflex®</b>			

### Human Granulocyte-macrophage colony-stimulating factor (hGM-CSF)

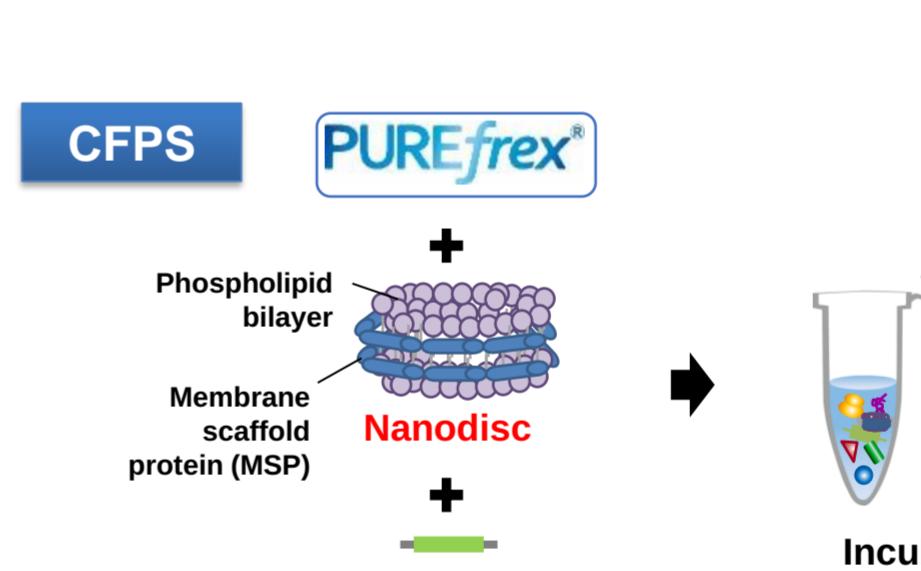
disulfide bond: 44-ATT GGNWTT AGG C 47  
Length: 155 a.a.  
Molecular weight: 17,475 Da  
Original sequence: NLSRDT  
Modified sequence: ATTGGNWTAGGRDT

### IVG

Target protein	GT1	GT2	GT3
<b>CFPS PUREflex®</b>			

Multi-step IVG with PUREflex® was effective for disulfide bonded proteins.

## 3. in vitro Glycosylation of membrane protein



### Human Beta-2 adrenergic receptor (hADRB2)

disulfide bond: 15-ATT GGNWTT AGG C 20  
Length: 416 a.a.  
Molecular weight: 46,764 Da  
Original sequence: NGSHAP  
Modified sequence: ATTGGNWTAGGHAP  
extracellular domain  
transmembrane  
cytoplasmic domain  
glycosylation recognition sequence by ApNGT  
(Met)  
UDP- GlcNAc  
UDP- Glc  
UDP- Gal  
UDP- GalNAc  
CMP- Sia  
CMP- ST6GalI  
CMP- CJCSST-I

### IVG

Target protein	GT1	GT2	GT3
<b>CFPS PUREflex®</b>			

### Glycosylation

Glucose and Galactose were added to asparagine in hADRB2 by multi-step IVG with PUREflex®.

## <Summary>

- N-glycosylation of Im7-6 were succeeded IVG and One-pot IVG with PUREflex®.
- Depending on the target protein, glycosylation could be achieved by arranging the method as Multi-step IVG.

Glycoproteins can be synthesized by IVG using PUREflex®.

## Future Study

- Application of current glycosylation methods to other proteins.
- Examination of oligosaccharide glycosylation by IVG with PUREflex®.

For more information, please contact us

URL: [www.genefrontier.com](http://www.genefrontier.com)

E-mail: [pureflex@genefrontier.com](mailto:pureflex@genefrontier.com)

